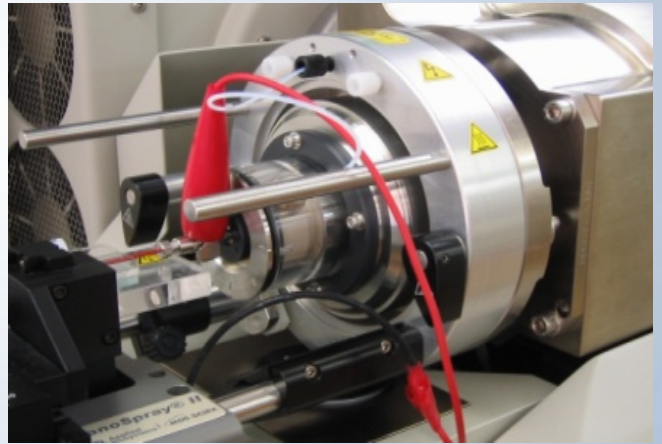


# 受託解析サービス

## 超高感度Zaplous LC/MS システムによる蛋白質定量解析

ELISAやWestern Blottingのような抗体を用いることなく質量分析装置のSRMモード (Selected Reaction Monitoring)によりサンプル中の目的の蛋白質群(複数)を超高感度で且つ同時に定量することが可能です。

### MS based Assay using Nanoflow LC and Quadropole MS with SRM



室内環境によるノイズを一切遮断した独自開発による密閉型ナノエレクトロスプレーソースとナノLC及び3連四重極質量分析装置が最適化されたZAPLOUS MS-based Assay LC/MSシステムにより超高感度定量解析を行います。

候補蛋白質の選択

候補蛋白質の  
アミノ酸配列

候補蛋白質のターゲット  
ペプチドデザイン

SRMによる複数ペプチド  
の一回定量

論文

Discovery  
Proteomics

Genomics

Others

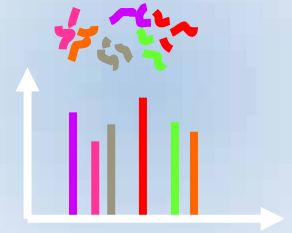
Protein  
Sequence



Signature  
peptide  
Identification  
(In Silico)



Multiple Assay



# 受託解析サービス

## 受託解析の流れ

### SRMペプチドデザイン

目的の候補蛋白質に対してSRMによる定量を行うターゲットペプチドのデザインを行う。ペプチドの選択、SRMでのトランジッションの設計など。



### 実験による検証

すべてのサンプルからプロジェクトコントロールを作成し実際のLC/MS分析を行い、分析条件の最適化及びデザインされたペプチドが解析できるかを検証。



### 実サンプルのSRMによるLC/MS解析

1検体につきn=3で測定を行い、すべてのサンプルをLC / MS解析する。



### データ解析及びレポート作成

測定データの解析を行い、定量結果からレポートを作成する。

# 受託解析サービス

価格

SRMペプチドデザイン



10万円/ペプチド

実験による検証



実サンプルのSRMによるLC/MS解析

30万円/サンプル

1サンプルにつきn=3で測定



データ解析及び  
レポート作成

10万円/サンプル