

タンパクデータ統合解析ソフトウェア

PROTEO IQ

- 膨大なMSデータ(臨床サンプルなど)や複数の検索ソフト(Mascot, SEQUEST, X!Tandemなど)の解析データを一つのソフトウェアで統合して解析可能



- 検索結果を1つに統合し、PROTEO IQソフトウェアで解析

- 1.Mascot (.dat)
- 2.SEQUEST. (out/.zip)
- 3.Bioworks(.srf)
- 4.Proteome Discoverer(.mst)
- 5.X! Tandem(.tandem/.xml)
- 6.Protein Pilot(.xml)
- 7.TPP(.xml)

統合!!



■ 様々な定量解析が可能

定量法	
ラベルフリー	スペクトラルカウント
ラベルフリー	プレカーサーイオン強度比較
アイソバリック	iTRAQ, TMT, カスタムラベル
アイソトピック	SILAC, ICAT, ジメチルラベル、 ^{18}O , ^{15}N , アセチレーション、

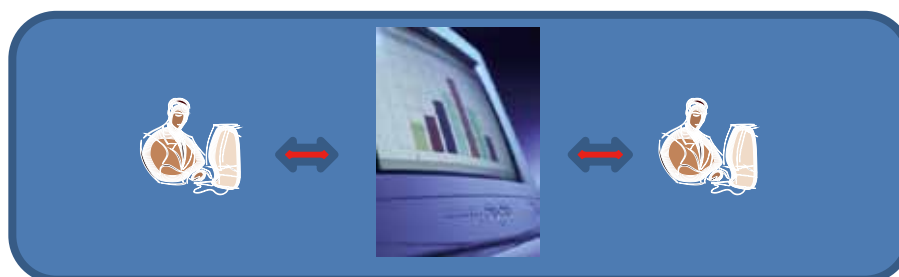
■ 蛋白質データからバイオロカルな機能解析

機能解析
パスウェイ解析 (KEGGにリンク)
機能と局在解析 (GeneOntology解析)
他の蛋白質データベースのリンク可能

■ Stastical Validation

統計解析とバリデーション
再現性解析
ノーマライゼーション
FDR(ProValT)/Prbability(Peptide&Protein Prophet)

■ データビューワー (Free) により解析結果をグループで共有



■ 結果をベン図など様々な方法で比較 (3 群比較可能)



販売店

エーエムアール株式会社

〒152-0031 東京都目黒区中根 2-13-18 第百生命都立大駅前ビル 5F

TEL: (03) 5731-2281 FAX: (03) 5731-2283 URL: <http://www.amr-inc.co.jp>

Email: marketing@amr-inc.co.jp

