

タンパクデータ統合解析ソフトウェア

# PROTEO IQ

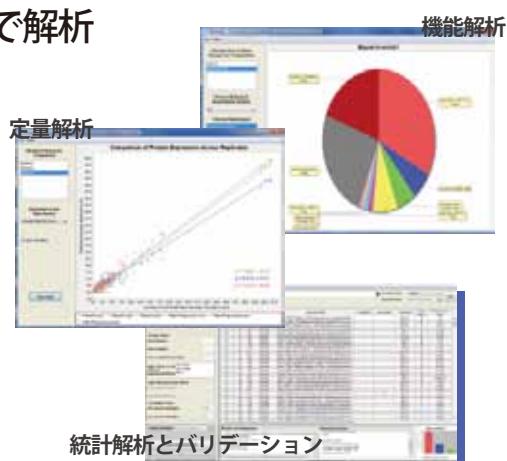
- 膨大なMSデータ(臨床サンプルなど)や複数の検索ソフト(Mascot, SEQUEST, X!Tandemなど)の解析データを一つのソフトウェアで統合して解析可能



- 検索結果を1つに統合し、PROTEO IQソフトウェアで解析

- 1.Mascot (.dat)
- 2.SEQUEST. (out/.zip)
- 3.Bioworks(.srf)
- 4.Proteome Discoverer(.mst)
- 5.X! Tandem(.tandem/.xml)
- 6.Protein Pilot(.xml)
- 7.TPP(.xml)

統合!!



## ■ 様々な定量解析が可能

定量法	
ラベルフリー	スペクトルカウント
ラベルフリー	プレカーサーイオン強度比較
アイソバリック	iTRAQ, TMT, カスタムラベル
アイソトピック	SILAC, ICAT, ジメチルラベル、 <sup>18</sup> O, <sup>15</sup> N, アセチレーション、

## ■ 蛋白質データからバイオロカルな機能解析

機能解析
パスウェイ解析（KEGGにリンク）
機能と局在解析（GeneOntology解析）
他の蛋白質データベースのリンク可能

## ■ Statistical Validation

統計解析とバリデーション
再現性解析
ノーマライゼーション
FDR(ProValT)/Probability(Peptide&Protein Prophet)

## ■ データビューワー（Free）により解析結果をグループで共有



## ■ 結果をベン図など様々な方法で比較（3群比較可能）



販売店

エーエムアール株式会社

〒152-0031 東京都目黒区中根 2-13-18 第百生命都立大駅前ビル 5F

TEL: (03) 5731-2281 FAX: (03) 5731-2283 URL:<http://www.amr-inc.co.jp>

Email: [marketing@amr-inc.co.jp](mailto:marketing@amr-inc.co.jp)

**AMR**  
AMR INCORPORATED